

Assessment of genetic diversity in groundnut (*Arachis hypogea* L.) germplasm using morphological traits

علی اعلمی^۱، مسعود اصفهانی^۲، بابک عبدالهی مندولکانی^۳ و جواد مظفری^۴

بررسی تنوع ژنتیکی ژرمپلاسم بادام زمینی با استفاده از صفات مورفولوژیکی.

()

(ICRISAT)

(/)

تاریخ دریافت: ۱۳۸۵/۶/۲۳

۲- عضو هیأت علمی دانشکده علوم کشاورزی، دانشگاه گیلان (مکاتبه کننده)

۱- عضو هیأت علمی دانشکده علوم کشاورزی، دانشگاه گیلان

۴- عضو هیأت علمی مؤسسه تحقیقات اصلاح و تهیه نهال و بذر

۳- دانشجوی دکتری، دانشکده کشاورزی، دانشگاه تهران

می باشد (Harch *et al.*, 1997; Harch *et al.*, 1996). (Halbrook and Dong, 2005; Foundra *et al.*, 2000; Harch و همکاران (1997) با استفاده از تجزیه به مؤلفه های اصلی روی ۲۸ صفت مورفولوژیکی در یک مجموعه ۴۲ تایی *Arachis duranensis*, پنج صفت ارتفاع ساقه اصلی، طول برگچه انتهایی روی ساقه اصلی، طول باریکه های بین شکم غلاف ها، عرض دانه و واکنش به زنگ بادام را شناسایی کردند که بیشتر از ۶۱٪ درصد از کل تنوع اولیه این مجموعه را توجیه می کرد. فوندرا و همکاران (Foundra *et al.*, 2000) با استفاده از تجزیه خوشای و تجزیه به مؤلفه های اصلی روی داده های ۱۴ صفت مورفولوژیکی، تنوع ژنتیکی یک جمعیت ۸۶ تایی بادام زمینی مربوط به ایکریسات را مورد ارزیابی قرار دادند و گزارش نمودند که صفات طول غلاف، تعداد دانه در غلاف، وزن غلاف و وزن دانه، بیشترین اهمیت را در ارزیابی تنوع این جمعیت داشتند، تجزیه خوشای به روش وارد نمونه های یاد شده را به ۹ گروه متسب کرد. اوپادھیایا و همکاران (Upadhyaya *et al.*, 2003) با استفاده از ۱۴ صفت مورفولوژیکی مندرج در دستورالعمل اندازه گیری و ثبت صفات بادام زمینی، ژرم پلاسم بادام زمینی موجود در انسیتو تحقیقات بین المللی گیاهان زراعی مناطق گرسیزی نیمه خشک (ICRISAT) را مورد مطالعه قرار داده و یک کلکسیون مرکزی را که نماینده کلکسیون اولیه بود، تشکیل دادند و گزارش کردند که این کلکسیون مرکزی دسترسی بهتر به منابع ژنتیکی و ارزیابی مؤثر آنها را به طور کارآمدتری میسر می سازد. هالبروک و دانگ (Halbrook and Dong, 2005) با استفاده از ۱۶ صفت مورفولوژیکی، یک کلکسیون مرکزی با ۱۱۲ نمونه، از یک کلکسیون اولیه بادام زمینی آمریکا شامل ۸۳۱ نمونه، تهیه کردند و نشان دادند که این کلکسیون برای شناسایی ژن های مقاومت و ارزیابی و اندازه گیری صفات پرهزینه و مشکل مفید است.

بادام زمینی (*Arachis hypogea*) از تیره پروانه آسا، بزرگترین و مهم ترین زیررده از سه زیررده تیره بقولات است. بادام زمینی یک گیاه روغنی مهم است که در ۹۶ کشور جهان کشت می شود. این گیاه بومی منطقه آمریکای جنوب شرقی است که در صورت عدم دسترسی به گوشت، می تواند بخش ارزشمندی از پروتئین غذایی انسان را تأمین کند. جنس *Arachis* دارای ۷ گونه است که بومی آمریکای جنوبی بوده و تقریباً همه آنها دیپلوئید هستند. بادام زمینی ($2n = 40$) گیاهی خودبارور و آلو تراپلولئید است (ناصری، ۱۳۷۰). علیرغم تنوع مورفولوژیکی بالا در ژرم پلاسم بادام زمینی، این تنوع به اندازه کافی در برنامه های اصلاحی بادام زمینی مورد استفاده قرار نگرفته است و بسیاری از ارقام زراعی موجود معمولاً بر پایه یک یا چند والد مشترک تولید شده اند. این موضوع شاید به علت عدم وجود اطلاعات کافی در مورد صفات مورفولوژیکی و زراعی بادام زمینی باشد (Badigannavar *et al.*, 2002). بنابراین برای بهره برداری از تنوع موجود در ژرم پلاسم بادام زمینی، ارزیابی صفات مورفولوژیکی و زراعی آن ضروری است. ارزیابی تنوع ژنتیکی و روابط خویشاوندی، ایجاد و توسعه کلکسیون های مرکزی ژرم پلاسم برای ارزیابی بهتر منابع ژنتیکی، افزایش کارآبی مجموعه های ژنتیکی در برنامه های اصلاحی و تسهیل مدیریت ژرم پلاسم مفید هستند (Dwivedi *et al.*, 2001; Hilu and Stalker, 1995; Upadhaya *et al.*, 2003; Badigannavar *et al.*, 2002; برآورد روابط ژنتیکی و ارزیابی تنوع ژنتیکی بر مبنای صفات مورفولوژیک، فیزیولوژیک و زراعی می تواند برای سازماندهی ژرم پلاسم، گزینش والدین مناسب برای دورگ گیری و تولید جمعیت های در حال تفرق سودمند باشد. توسعه کلکسیون های مرکزی برای شناسایی ژن های مفید و همچنین ارزیابی صفاتی که اندازه گیری آنها سخت و پرهزینه است، مؤثر

ایران بود. این نمونه‌ها براساس تقسیم‌بندی انسیتو تحقیقات بین‌المللی گیاهان زراعی مناطق گرمسیری نیمه‌خشک^۱ (ICRISAT) به ۵ گروه مختلف A (متوسط رس، ویرجینیا بانچ)، B (متوسط رس، اسپانیش بانچ)، C (آجیلی)، D (مقاوم به خشکی) و E (زودرس) تقسیم شده بودند. همه‌ی نمونه‌های مورد مطالعه از نوع تیپ ایستاده بودند. مشخصات نمونه‌ها در جدول شماره یک ارائه شده است.

هدف از مطالعه حاضر، ارزیابی ژنوتیپ‌های بادام زمینی موجود در ژرم پلاسم بانک ژن گیاهی ملی ایران بر اساس برخی صفات مهم مورفولوژیک، بررسی همبستگی بین این صفات و ارزیابی تنوع ژنتیکی این مجموعه بوده است.

: مواد گیاهی شامل کلیه نمونه‌های بادام زمینی موجود در جرم پلاسم بانک ژن گیاهی ملی

جدول ۱- اسامی ژنوتیپ‌های بادام زمینی مورد آزمایش براساس تقسیم‌بندی ایکریسات

Table 1. Name of Peanut genotypes according to ICRISAT classification

	A گروه	B گروه	C گروه	D گروه	E گروه
1	ICGV 92046	ICGV 92001	ICGV 92151	ICGV 92109	ICGV 91155
2	ICGV 92049	ICGV 92004	ICGV 92167	ICGV 92113	ICGV 92195
3	ICGV 92050	ICGV 92015	ICGV 92173	ICGV 92116	ICGV 92206
4	ICGV 92052	ICGV 92022	ICGV 93030	ICGV 92118	ICGV 92217
5	ICGV 92054	ICGV 92023	ICGV 93041	ICGV 92120	ICGV 92218
6	ICGV 92064	ICGV 92027	ICGV 93057	ICGV 92121	ICGV 92222
7	ICGV 92071	ICGV 92028	ICGV 93077	ICGV 92126	ICGV 92229
8	ICGV 92076	ICGV 92033	ICGV 93095	ICGV 93232	ICGV 92267
9	ICGV 93152	ICGV 92035	ICGV 93104	ICGV 93233	ICGV 93370
10	ICGV 93155	ICGV 92040	ICGV 94198	ICGV 93255	ICGV 93382
11	ICGV 93162	ICGV 93128	ICGV 94204	ICGV 93260	ICGV 93388
12	ICGV 93163	ICGV 93133	ICGV 94205	ICGV 93261	ICGV 93392
13	ICGV 93164	ICGV 93134	ICGV 94216	ICGV 93269	ICGV 93420
14	ICGV 93171	ICGV 93135	ICGV 94217	ICGV 93277	ICGV 94361
15	ICGV 93180	ICGV 93136	ICGV 9422	ICGV 86635	Chico
16	(شاهد)				

(به عنوان شاهد) در سال زراعی ۱۳۸۱ در مزرعه تحقیقاتی داشکده کشاورزی دانشگاه گیلان در قالب طرح بلوک‌های کامل تصادفی با دو تکرار کشت شدند. پس از شخم و دیسک زمین در بهار، مقدار ۷۰ کیلوگرم کود نیتروژن از منبع اوره و ۱۰۰ کیلوگرم کود فسفر از منبع سوپر فسفات تریپل در هکتار در مزرعه پخش شده و با دیسک‌زنی مجدد با خاک مخلوط شدند. خاک مزرعه به دلیل درصد بالای رس (حدود ۱۸ درصد)، با افزودن ماسه و کود حیوانی به صورت موضعی اصلاح

: با توجه به بررسی‌های به عمل آمده در بخش تحقیقات دانه‌های روغنی مؤسسه اصلاح و تهیه نهال و بذر، ایستگاه لشت نشاء گیلان، رقم NC2 با عملکرد ۲۵۸۰ کیلوگرم دانه در هکتار نسبت به سایر ارقام برتری نشان داده و به همین دلیل در حال حاضر به عنوان رقم غالب در استان گیلان کشت و کار می‌شود (احمدی، ۱۳۶۱ و ۱۳۶۲)، بر این اساس ۷۵ نمونه بادام زمینی از انواع مختلف آجیلی و روغنی دریافت شده از بانک ژن گیاهی ملی ایران همراه با رقم NC2

جدول ۲ - خلاصه تجزیه واریانس (میانگین مربعات) صفات کمی مورد ارزیابی در ژنوتیپ های بادام زمینی

Table 2. Summary of analysis of variance (Mean Squares) of quantitative traits in peanut genotypes

منابع تغییر S. O. V.	درجه آزادی df	عمکرد دانه Grain yield	وزن دانه Grain weight	وزن غلاف Pod weight	طول غلاف Pod lenght	عرض غلاف Pod width	طول دانه Grain lenght	عرض دانه Grain width	تعداد غلاف در بوته Pod No./Plant	تعداد دانه در گیاه Grain No./Plant	نسبت وزن دانه به غلاف Grain W./ Pod W.
Replication	تکرار	1	0.03	0.03	18.84**	0.21	0.00	0.01	0.20	341.86	1008.58
Genotype	ژنوتیپ	75	0.37**	0.04**	354.4**	0.55**	0.12**	0.12**	0.05**	134.31**	495.07**
Error	اشتباه	75	0.08	0.00	38.72	0.06	0.02	0.01	0.01	62.77	184.57
C.V. (%)	ضریب تغییرات (درصد)	30.42	15.32	37.27	8.11	11.69	8.09	16.31	27.66	26.03	11.29

**: Significant at 1% probability level.

**: معنی دار در سطح احتمال یک درصد

Table 2: Continued

ادامه جدول ۲

منابع تغییر S. O. V.	درجات آزادی df	تعداد دانه در غلاف Grain No./Pod	وزن غلاف در بوته Pod W./Plant	وزن دانه در بوته Grain W./Plant
Replication	تکرار	1	0.00	55.00
Genotype	ژنوتیپ	75	0.05**	112.06**
Error	اشتباه	75	0.01	20.50
C.V. (%)	ضریب تغییرات (درصد)		6.65	26.03

**: Significant at 1% probability level.

**: معنی دار در سطح احتمال یک درصد

جدول ۳- ضرایب همبستگی بین صفات مربوط به دانه در ژنوتیپ های بادام زمینی

Table 3. Correlation coefficients between grain related characteristics in Peanut genotypes

Traits	صفات	Grain yield	عملکرد دانه	طول غلاف	عرض غلاف	تعداد دانه در غلاف	نسبت وزن دانه به وزن غلاف	وزن دانه	طول Grain	عرض Grain	میانگین تعداد غلاف در گیاه	میانگین وزن دانه در گیاه	میانگین تعداد غلاف در بوته	میانگین وزن دانه در بوته	
Grain Yield			1												
Pod length			طول غلاف	ns	1										
Pod width			عرض غلاف	ns	0.595**	1									
Grain No./ Pod			عملکرد دانه در غلاف	0.242**	ns	-0.240*	1								
Grain W./Pod W.			نسبت وزن دانه به وزن غلاف	ns	-0.329**	-0.515**	0.226*	1							
Grain weight			وزن دانه	0.509**	0.655**	0.624**	-0.230*	ns	1						
Grain length			طول دانه	ns	0.873**	0.695**	-0.255	-0.350*	0.761**	1					
Grain width			عرض دانه	ns	0.489**	0.615**	ns	ns	0.726**	0.647	1				
Avg. Pod No./Plant			میانگین تعداد غلاف در بوته	0.608**	-0.534**	-0.535**	ns	0.345**	-0.496**	-0.543**	-0.477**	1			
Avg. Grain No./ Plant			میانگین تعداد دانه در گیاه	0.715**	-0.533**	-0.607**	ns	0.434**	-0.565**	-0.617**	-0.521**	0.938**	1		
Avg. Pod W./Plant			میانگین وزن غلاف در بوته	0.715**	0.321**	0.388**	ns	ns	0.429**	0.329**	0.333**	0.559**	0.493**	1	
Avg. Grain W./Plant			میانگین وزن دانه در بوته	0.354**	ns	ns	ns	0.557**	ns	ns	ns	0.599**	0.611**	0.861**	1

* and **: Significant at 5% and 1% probability levels, respectively.

و **: به ترتیب معنی دار در سطح ۵٪ و ۱٪.

ns: No- significant

ns: غیرمعنی دار

($r = 0.608^{**}$) و وزن دانه ($r = 0.509^{**}$) وجود داشت. بین وزن دانه با طول دانه ($r = 0.77^{**}$) و عرض دانه ($r = 0.73^{**}$) ژنتیپ‌های بادام زمینی همبستگی مثبت و معنی‌داری وجود داشت (جدول ۳). تعداد غلاف در گیاه نیز با تعداد دانه در گیاه ($r = 0.94^{**}$) و وزن غلاف در گیاه ($r = 0.56^{**}$ ، همبستگی مثبت و معنی‌داری داشت. همبستگی مثبت و معنی‌دار طول و عرض دانه با وزن دانه نشان داد که این صفات در ژنتیپ‌های مورد ارزیابی، عوامل تعیین‌کننده‌ای در عملکرد هستند و گزینش در جهت این دو صفت احتمالاً به بهبود عملکرد بادام زمینی کمک خواهد کرد. بین وزن دانه با طول غلاف ($r = 0.66^{**}$) و عرض غلاف ($r = 0.62^{**}$) نیز همبستگی مثبت و معنی‌داری مشاهده شد که از این دو صفت نیز می‌توان در کنار طول و عرض دانه به عنوان عوامل تعیین‌کننده عملکرد در بادام زمینی استفاده کرد. احتمالاً غلاف‌های بزرگتر فرصت رشد بیشتری به دانه‌ها داده و امکان تولید دانه‌های بزرگتر را فراهم می‌سازند. وزن دانه با تعداد دانه در گیاه و وزن غلاف همبستگی منفی معنی‌داری نشان داد. واریسای محمد و همکاران (Varisai-Muhammad *et al.*, 1975) و سومرو و لاریک (Soomro and Larik, 1981) نشان داده بودند که عمدتاً صفات کمی مربوط به دانه مانند وزن و تعداد دانه با صفات مربوط به غلاف در بادام زمینی همبستگی دارند.

نتایج تجزیه به مؤلفه‌های اصلی با استفاده از ۱۱ صفت مورد مطالعه نشان داد که سه مؤلفه اول در مجموع ۷۲ درصد از تغییرات متغیرهای اولیه را توجیه می‌کرند که ۴۶ درصد مربوط به مؤلفه اول، ۱۶ درصد مربوط به مؤلفه دوم و ۱۰ درصد مربوط به مؤلفه سوم بود. در مؤلفه اول بیشترین اهمیت مربوط به صفات تعداد دانه در گیاه، وزن غلاف در گیاه، طول، عرض و وزن دانه، تعداد غلاف در گیاه، عرض و طول غلاف بود. بیشتر این صفات، صفات تعیین‌کننده عملکرد هستند و بنابراین به نظر می‌رسد، صفات مهم در تعیین عملکرد

شد و سپس بذرها به صورت ردیفی (60×20 سانتیمتر) کشت شدند. پس از سبز شدن بذرها ضمن انجام عملیات معمول داشت از جمله تنک کردن بوته‌ها، آبیاری، وجین و خاک‌دهی پای بوته‌ها، صفات مورفوژیک بر اساس دستور العمل اندازه‌گیری و ثبت صفات بادام زمینی که توسط انتیتو تحقیقات بین‌المللی (ICRISAT) گیاهان زراعی مناطق گرمسیری نیمه‌خشک (dryland) تنظیم شده است، در ۳ بوته به طور تصادفی از هر نمونه و در هر تکرار اندازه‌گیری و ثبت شدند. صفات مورد بررسی شامل طول غلاف، عرض غلاف، تعداد دانه در غلاف، نسبت وزن دانه به وزن غلاف، وزن دانه، طول دانه، عرض دانه، تعداد غلاف در گیاه، تعداد دانه در گیاه، وزن غلاف در گیاه و وزن دانه در گیاه بود. با توجه به داده‌های اندازه‌گیری شده، همبستگی بین صفات، تجزیه به مؤلفه‌های اصلی و تجزیه خوش‌های مبتنی بر روش وارد (ward) براساس مجدد فاصله اقلیدسی پس از تبدیل Z با استفاده از نرم‌افزار SPSS نسخه ۱۰ انجام گرفت. برای تعیین بهترین نقطه‌ی برش برای دندروگرام حاصله، از تجزیه‌ی تابع تشخیص و تجزیه‌ی واریانس چندمتغیره (MANOVA) استفاده شد. ضرایب همبستگی کوفتیک با استفاده از نرم‌افزار Ntsys 2.21 محاسبه شد.

نتایج تجزیه واریانس صفات کمی مورد ارزیابی در جدول شماره ۲ ارائه شده است. تفاوت میان ژنتیپ‌ها برای کلیه صفات در سطح احتمال یک درصد معنی‌دار بود که این موضوع نشان‌دهنده وجود تنوع میان ژنتیپ‌های مورد مطالعه از نظر صفات کمی ذکر شده بود.

نتایج همبستگی پیرسون بین صفات مورد مطالعه نشان داد که همبستگی مثبت و معنی‌داری ($P < 0.01$) بین عملکرد دانه با وزن غلاف در بوته ($r = 0.715^{**}$ ، تعداد دانه در بوته ($r = 0.715^{**}$)، تعداد غلاف در بوته

با بقیه ارقام یکسان بوده و علی‌رغم طبقه‌بندی آن‌ها در زمره‌ی ارقام زودرس، هیچ‌گونه علائم زودرسی در این ارقام دیده نشد که این وضعیت می‌تواند بر روی بسیاری از خصوصیات مورفولوژیکی این گروه نیز تأثیرگذار باشد به طوری که تفاوتی با بقیه ارقام گروه‌های دیگر نداشته باشند. به نظر می‌رسد که پراکندگی بقیه ارقام در گروه‌های مختلف و عدم تمایز صدرصد آن‌ها نیز به علت شرایط رشدی منطقه مورد مطالعه (گیلان) بوده باشد. به عنوان مثال ژنتیپ‌های گروه D از ارقام مقاوم به خشکی بودند که قادرند در شرایط تنفس خشکی خصوصیات مقاومت به خشکی را بروز دهند، ولی در شرایط آب و هوایی گیلان، از بقیه ارقام گروه‌های دیگر قابل تفکیک نبودند.

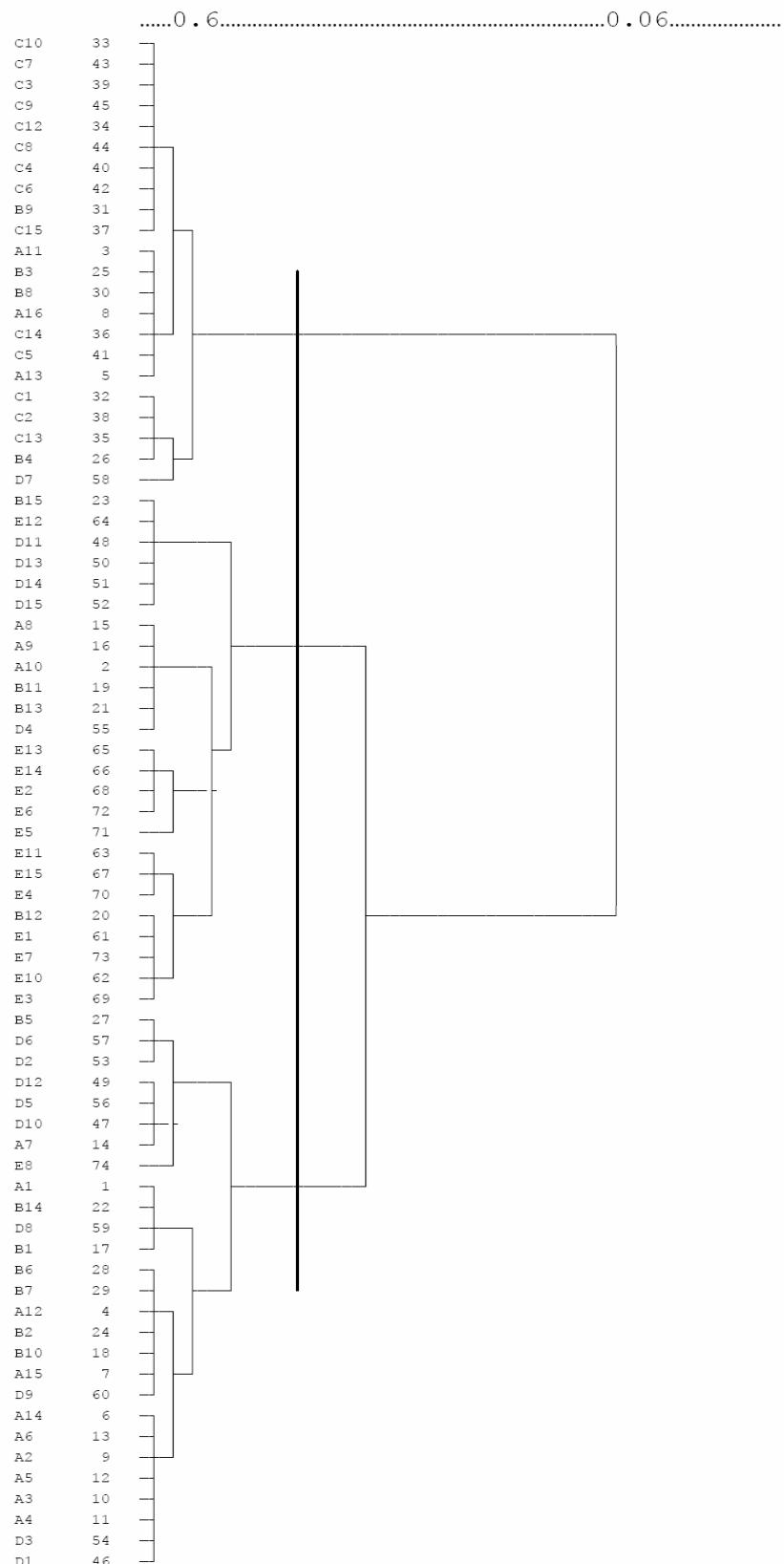
میانگین صفات کمی برای سه گروه در جدول ۴ آمده است. گروه‌های دوم و سوم نسبت به گروه اول برای بیشتر صفات میانگین مشابهی دارند.

میانگین تنوع ژنتیکی ژنتیپ‌های بادام‌زمینی ۱۹ درصد بود که نسبتاً پایین به نظر می‌رسد و یکی از دلایل احتمالی آن می‌تواند خودباروری بادام‌زمینی باشد (Dwivedi *et al.*, 2001). شاید گزینش در جهت صفات مطلوب اصلاحی نیز از دلایل دیگر باریک شدن اساس تنوع ژنتیکی نمونه‌های مورد مطالعه باشد که در تحقیقات مربوط به پیشگیری از اپیدمی برخی از بیماری‌های مهم بادام‌زمینی حتماً بایستی مورد توجه قرار گیرد. دویدی و همکاران (Dwivedi *et al.*, 2001) و همچنین بادیگانوار و همکاران (Badigannavar *et al.*, 2002) نیز تنوع ژنتیکی نسبتاً پایینی را برای صفات مورفولوژیکی بادام‌زمینی گزارش کردند و گروه‌بندی چندان مشخصی را از دندروگرام حاصله به دست نیاوردند. بیشترین تشابه بین ژنتیپ‌های C3 - C7 - C10 و D5 - D12 بود. کلیه این ژنتیپ‌ها از گروه‌های رشدی مشابه C و D بودند. تمامی نمونه‌های مربوط به گروه C در گروه اول و کلیه نمونه‌های مربوط به گروه D به جز D7 در گروه دوم و

عمدتاً شامل خصوصیات دانه در غلاف‌ها بوده باشد. در آزمایش‌هایی که توسط سینگ و همکاران (Singh *et al.*, 1995) و فوندرا و همکاران (Foundra *et al.*, 2000) روی بادام‌زمینی انجام گرفت، اغلب این صفات به عنوان صفات مهم در بررسی تنوع ژنتیکی و مورفولوژیکی بادام‌زمینی گزارش شده‌اند و بنابراین می‌توانند در آزمایش‌هایی که تعداد زیادی نمونه می‌بایست مورد ارزیابی قرار گیرند و یا اندازه‌گیری برخی خصوصیات مورفولوژیکی در آن‌ها پر زحمت و وقت گیر است استفاده شوند، به علاوه از این صفات می‌توان به عنوان شاخص در تهیه کلکسیون‌های مرکزی از کلکسیون‌های اولیه و انتخاب نمونه‌هایی که نماینده کل تنوع کلکسیون اولیه هستند استفاده کرد (Halbrook and Dong, 2005).

تجزیه خوش‌های با استفاده از روش وارد مبتنی بر مجذور فاصله اقلیدسی، ارقام مورد مطالعه را به سه گروه مناسب کرد که بر این اساس به نظر می‌رسد نمونه‌های مورد آزمایش برای صفات مورد نظر از تنوع بالای برخوردار نبوده‌اند (شکل ۱).

تجزیه خوش‌های با استفاده از صفات مهم مربوط به سه مؤلفه اول حاصل از تجزیه به مؤلفه‌های اصلی نیز نتایج مشابهی داشت که با توجه به معنی دار بودن ضریب همبستگی ۸۵ درصد بین ماتریس تشابه صفات و ماتریس تشابه صفات مربوط به ۳ مؤلفه اول، به نظر می‌رسد که از این صفات نیز می‌توان به خوبی جهت گروه‌بندی ژنتیپ‌های بادام‌زمینی استفاده کرد. گروه اول شامل ۲۲ نمونه، گروه دوم ۲۵ و گروه سوم ۲۷ نمونه بودند. گروه دوم و سوم تشابه بیشتری را به لحاظ میانگین صفات مورد مطالعه داشتند. هر کدام از گروه‌ها به زیر گروه‌هایی تقسیم شدند و در هر زیر گروه ژنتیپ‌های مربوط به یک تیپ رشدی، در مجاورت هم قرار گرفتند. بیشترین پراکندگی و تنوع مربوط به ژنتیپ‌های گروه A بود که در طول دندروگرام پخش شدند. تمامی ژنتیپ‌های گروه E از لحاظ تیپ رشدی



شکل ۱- دندروگرام ژنوتیپ‌های بادام زمینی مورد مطالعه بر اساس روش حداقل واریانس وارد

Fig. 1. Dendrogram for Peanut genotypes based on Ward Least Variance Method

جدول ۴- میانگین صفات کمی ژنتیپ‌های بادام‌زمینی در گروه‌ها

Table 4. Mean of quantitative traits of peanut genotypes in different clusters

Characters	صفات	میانگین کل Grand Mean	میانگین کلاستر اول	میانگین کلاستر دوم	میانگین کلاستر سوم
			First cluster Mean	Second cluster Mean	Third cluster Mean
Pod length (cm)	طول غلاف (سانتیمتر)	3.1	3.7	2.8	3
Pod width (cm)	عرض غلاف (سانتیمتر)	1.3	1.6	1.2	1.3
Garin No./ Pod	تعداد دانه در غلاف	1.8	1.8	1.9	1.8
Grain W./Pod W.	نسبت وزن دانه به غلاف	2.5	2.3	2.7	2.5
Grain eight (g)	وزن دانه (گرم)	0.54	0.7	0.44	0.51
Grain length (cm)	طول دانه (سانتیمتر)	1.6	1.8	1.7	1.5
Grain width (cm)	عرض دانه (سانتیمتر)	0.81	0.96	0.67	0.83
Pod No./ Plant	تعداد غلاف در بوته	29	23	32	31
Grain No./ Plant	تعداد دانه در بوته	52	41	61	55
Pod W./Plant (g)	وزن غلاف در بوته (گرم)	17.5	13.6	20	18
Grain W./Plant (g)	وزن دانه در بوته (گرم)	27.5	28	26	28

جهت دورگ‌گیری و اصلاح جمعیت یا به عنوان کاندیدهای والدی جهت تهیه جمعیت‌های درحال تفرق استفاده کرد. تکمیل نتایج آزمایش حاضر با داده‌های حاصل از آزمایش‌های مولکولی که در دست اجرا است، برای تفکیک و تمایز بهتر نمونه‌های موجود در ژرم‌پلاسم بادام‌زمینی و تعیین والدین مناسب برای برنامه‌های دورگ‌گیری ضروری است.

نگارندگان مراتب تقدیر و تشکر خود را از حوزه معاونت پژوهشی دانشگاه گیلان و معاونت پژوهشی دانشکده کشاورزی دانشگاه گیلان که اعتبارات لازم برای اجرای این پژوهه را تأمین کردند و بانک ژن‌گیاهی ملی ایران که نمونه‌های بادام‌زمینی را در اختیار گذاشتند، اعلام می‌نمایند.

سوم که تشابه بیشتری داشتند جای گرفتند. به این ترتیب ضمن اینکه دو گروه C و D بیشترین فاصله را از یکدیگر دارند، به نظر می‌رسد که تقسیم‌بندی اولیه ژنتیپ‌های این دو گروه نیز درست بوده است. ژنتیپ D7 از لحاظ اکثر صفات مورفو‌لوزیک، متفاوت از بقیه نمونه‌های گروه D بود که دلیلی بر گروه‌بندی جداگانه آن نسبت به سایر ژنتیپ‌های گروه D است. کمترین تنوع در بین ژنتیپ‌های گروه C مشاهده شد. احتمالاً با توجه به تشابه بالای نمونه‌های مذکور، ممکن است بیشتر نمونه‌ها تکراری باشند و بایستی از ژرم‌پلاسم حذف شوند. البته انجام آزمایش‌های تکمیلی جهت بررسی تکراری بودن این ارقام با استفاده از نشانگرهای مولکولی و یا اجرای آزمایش در شرایط آب و هوایی دیگر ضروری است. بیشترین فاصله ژنتیکی بین ژنتیپ‌های E5-C6-E5 و C7-E5 وجود داشت، بنابراین احتمالاً از این ژنتیپ‌ها بتوان در برنامه‌های بهنژادی

References

- گزارش بررسی بادام‌زمینی، بخش دانه‌های روغنی. مؤسسه تحقیقات اصلاح و تهیه نهال و بذر، کرج. [DOR: 20.1001.1.15625540.1385.8.4.6.1]
- دانه‌های روغنی (ترجمه). انتشارات آستان قدس رضوی. ۸۲۳ صفحه.

- Badigannavar, A. M., D. M. Kale and G. S. S. Murty.** 2002. Genetic base and diversity in groundnut genotypes. *Plant Breeding*. 121: 348-355.
- Dwivedi, S. L., S. Gurtu, S. Chandra, W. Yuejin and S. N. Nigam.** 2001. Assessment of genetic diversity among selected groundnut germplasm. I: RAPD analysis. *Plant Breeding*. 120: 345-349.
- Foundra, M. Z., M. Hernandez, R. Lopez, L. Fernandez, A. Sanchez, J. Lopez and I. Ravelo.** 2000. Analysis of the variability in collected peanut (*Arachis hypogaea* L.) cultivars for the establishment of core collections. *PGR Newsletter*. 137: 9-13.
- Halbrook Corley, C. and W. Dong.** 2005. Development and evaluation of a minicore collection for the U.S. peanut germplasm collection. *Crop Sci.* 45: 1540-1544.
- Harch, B. D., K. E. Basford, I. H. DeLacy, P. K. Lawrence and A. Gruickshank.** 1996. Mixed data types and the use of pattern analysis on the Australian groundnut germplasm data. *Genetic Resources and Crop Evolution*. 43: 363-367
- Harch, B. D., K. E. Basford, I. H. DeLacy and P. K. Lawrence.** 1997. The analysis of large scale data taken from the world groundnut (*Arachis hypogaea* L.) germplasm collection,I. Two-way quantitative data. *Euphytica*. 95: 27-38.
- Hilu, K. W. and H. T. Stalker.** 1995. Genetic relationships between peanut and wild species of *Arachis* sect. *Arachis(Fabaceae)*: Evidence from RAPDs. *Plant Systematic and Evolution*. 198: 167-178.
- Singh, K. A., P. Subrahmanyam and S. Gurtu.** 1995. Variation in a wild groundnut species, *Arachis duranensis*, Krapov. and W.C. Gregory. *Genetic Resources and Crop Evolution*. 3: 135-142.
- Soomro, B. and A. S. larik.** 1981. Inheritance and correlation of pod and seed characters in peanuts. *Genetica Agraria*. 35: 263-264.
- Upadhyaya, H. D., R. Ortiz, P. J. Bramel and S. Singh.** 2003. Development of a groundnut core collection using taxonomical, geographical and morphological descriptors. *Genetic resources and crop evolution*. 50: 139-148.
- Varisai-Muhammad, S., T. Ramanathan and M. Ramachandran.** 1975. Variation in pod weight of *Arachis hypogaea*. *Plant Breeding Abstracts*. 45: 378.

Assessment of genetic diversity in groundnut (*Arachis hypogea* L.) germplasm using morphological traits

Aalami¹, A., M. Esfahani², B. Abdullahi Mandolakani³ and J. Mozaffari⁴

ABSTRACT

Aalami, A., M. Esfahani, B. Abdullahi Mandolakani and J. Mozaffari. 2007. Assessment of genetic diversity in groundnut (*Arachis hypogea* L.) germplasm using morphological traits. Iranian Journal of Crop Sciences. 8 (4): 357-367.

A field experiment carried out to evaluate genetic diversity in 76 peanut accessions (*Arachis hypogea*), obtained from National Plant Gene Bank of Iran, in the faculty of Agriculture, the University of Guilan, Rasht, Iran. Eleventh major morphological traits were recorded using ICRISAT Peanut Descriptor during 2002 growing season using a Randomized Complete Block Design (RCBD) with two replications. Application of Pearson correlation indicated that seed length, seed width, pod length and width had a direct positive relation to seed weight ($P \leq 0.01$). In addition, the number of pods per plant had a positive correlation with number of seeds per plant and pod weight ($P \leq 0.01$). Three components derived from principal component analysis accounted for nearly 72% of whole variability in the evaluated germplasm, defined by number of seeds per plant, pod weight, seed length, seed width, seed weight, number of pods per plant, pod width and pod length. The accessions were divided to three groups by cluster analysis based on Ward method using Squared Euclidian distance coefficient. The studied accessions showed high similarity (0.19), therefore, broadening genetic base of peanut germplasm and use of molecular markers could be suggested in order to complete the morphological traits-based classification and evaluation of genetic diversity in peanut germplasm.

Key words: Ground nut, Genetic diversity, Morphological traits, Cluster analysis, Squared Euclidian Distance Coefficient.

Received: September, 2006

1- Faculty member, Faculty of Agricultural Sceince, Guilan University, Rasht, Iran.

2- Faculty member, Faculty of Agricultural Sceince, Guilan Univeersity, Rasht, Iran. (Correspanding author)

3- Ph. D. Student, Faculty of Agriculture the University of Tehran/ Karaj, Iran.

4- Faculty member, Seed and Plant Improvement Institute, Karaj, Iran.